



微菌次世代 定序資訊分析工作坊

Microbiota NGS Bioinformatics Workshop

主辦單位 / 台灣微菌聯盟

共同主辦 / 國立陽明大學生醫資訊所、臺北榮民總醫院

活動時間 / 2019年11月16日(星期六) 09:00~17:00

活動地點 / 國立陽明大學 活動中心第三會議室

微菌的相關研究，已是近年來各國全力投入的領域，而結合近年來次世代高通量定序技術的基因生醫資訊分析研究方法的進步，運用大量定序數據的計算分析，結合各種生醫資訊演算法，是有志投入微菌領域的研究者必備的基本功夫，有鑑於此，台灣微菌聯盟與陽明大學生醫資訊研究所及臺北榮民總醫院，特別邀請國內對高通量基因定序、菌相分析、shotgun 總體基因數據分析等議題學有專精的專家學者，齊聚一堂，分享交流國內外最新的學理與實務發展。

TIME	AGENDA	SPEAKER	MODERATOR
08:30-09:00	Registration		
09:00-09:10	Opening Remarks	陳鴻震 司長 陳震寰 院長 吳俊穎 理事長	
09:10-09:40	Microbiota analysis in addition to microbial composition	吳俊穎 教授 臺北榮總醫研部	邱正堂 教授 林口長庚醫院
09:40-10:10	To characterize unculturable microbial genomes: metagenome binning or single bacterial cell sorting?	湯森林 研究員 中研院生物多樣性研究中心	
10:10-10:30	Discussion		
10:30-10:50	Coffee break		
10:50-11:20	Comparative Analysis of Microbial Whole Genomes	張傳雄 教授 陽明生資所	吳登強 副院長 高醫大附設醫院
11:20-11:50	Experiences of Antimicrobial Studies by Short-Read and Long-Read Sequencing	黃耀廷 教授 中正大學資工系	
11:50-12:10	Discussion		
12:10-13:30	Lunch		
13:30-14:00	Joining Illumina paired-end reads for classifying phylogenetic marker sequences	劉宗霖 教授 成大生科與產業科學系	李宜家 教授 台大醫院
14:00-14:30	Metagenomics theory and real-world application	曾景鴻 博士 微菌方舟生物科技	
14:30-15:00	A genome-based multi-omics approach for elucidating the microbial functional potential for different environmental factors	吳育璋 教授 北醫大醫資所	
15:00-15:20	Discussion		
15:20-15:40	Coffee break		
15:40-16:10	Composition Analysis and Feature Selection of the Oral Microbiota Associated with Periodontal Disease with Machine Learning Techniques	林耀鈴 教授 靜宜大學資工系	楊永正 教授 陽明大學生資所
16:10-16:40	Data Visualization for Microbiota Analysis	何秀榮 博士 臺北榮總醫研部	
16:40-17:10	Microbes and Metagenomics in Human Health and Diseases – Case Studies	黃憲達 教授 香港中文大學(深圳) 生命與健康科學學院	
17:10-17:30	Discussion		
17:00-17:10	Closing Remarks	吳俊穎 理事長	

活動報名：自即日起至108年11月8日或額滿截止

報名費用：3,000元(非台灣微菌聯盟會員)、1,500元(台灣微菌聯盟會員、主/協辦單位人員、現職學生)

報名網址：微菌聯盟會員
、非會員報名



主/協辦單位人員
、現職學生報名

